

细胞遗传质量鉴定检测

Cell Line Authentication Service

STR 基因型检测报告

样品信息

样品编号:

客户样本编号	公司编号
	IMMO-241346

样品数量: 1

样品性状: 细胞系

检测项目: STR

送检单位: 厦门逸漠生物科技有限公司

检测方法： Chelex 100 提取细胞系基因组 DNA→SiFaSTR 23 plex 试剂盒进行多重 PCR→ABI 3130 XL 型遗传分析仪上进行毛细管电泳→GeneMapper® ID v3.2 软件进行数据分析→在 EXPASY 数据库中进行数据比对。

检测结果

(一) 检验基本情况

	多等位基因	匹配细胞系	细胞库	EV 值	匹配说明
IMMO-241346	无	SNU-1	EXPASY	1	完全匹配

样本基因型检验结果

- 多等位基因指三等位及以上基因现象。
- 本次检测各细胞分型结果良好。

(二) 各样本描述

- IMMO-241346**：该株细胞鉴定结果为**人源细胞系**，细胞 STR 分型结果与 EXPASY 数据库细胞 **SNU-1** 细胞系基因型一致，细胞对应号 **CVCL 0099**，STR 分型结果**完全匹配**。本次检测在该细胞系中**没有发现多等位基因，无交叉污染**。

Accession	Name	N° Markers	Score	Amelb	CSF1PO	D2S1338	D3S1358	D5S818	D7S820	D8S1179	D13S317	D16S539	D18S51	D19S433	D21S11	FGA	Penta D	Penta E	TH01	TPOX	vWA
NA	Query	NA	NA		12,13		16	12,13	9,12	13,14	11,14	9,12	14,22		29,32.2	22,23			8,9.3	8,10	14
CVCL_0099 Best	SNU-1	13	100.00%	X,Y	12,13	23,24	16	12,13	9,12	13,14	11,14	9,12	14,22	13,14.2	29,32.2	22,23	10,11	11,14	8,9.3	8,10	14
CVCL_0099 Worst	SNU-1	13	85.14%	X,Y	12,14	23,24	16,17	13	9,12	13,14	12,14	9,12	14,22	13,14.2	29,32.2	22	10,11	11,14	8,9.3	8,10	14
CVCL_3664	CLNH11.4	13	60.00%	X,Y	10,11,12	17,18,19,25	15,16	10,11,2,13	9,11	10,13,14	11	9,11,12	11,16,22	14,15,2,16	29,31,2,32.2	22,24	11,12	5,7,15,20	6,7,8,9,3	8,11	14,17,19,20

备注：待测细胞系与收录于 ExPASy 细胞库 (ExPASy 收录了来自于 ATCC、DSMZ、JCRB、ECACC 和 Riken 等数据库约 8808 株人源细胞 STR 数据，2024 年 9 月最新更新) 中的 STR 参考数据进行比对，未被收录 STR 数据的细胞系将无法进行比对。根据 ATCC 标准委员会鉴定标准 (ANSI/ATCC ASN-0002-2022)，匹配度 $EV \geq 80\%$ 认为它们具有相关性，可能衍生于共同的祖先细胞；匹配度 55%-80% 之间，需要结合其它方法进行进一步的鉴定认证其相关性。

(三) 样本分型结果

细胞 IMMO-241346 的 STR 位点和 Amelogenin 位点的基因分型结果						
Loci	送检细胞 STR 信息			细胞库细胞 STR 信息		
	送检细胞名: IMMO-241346			细胞库细胞名: SNU-1		
	Allele1	Allele2	Allele3	Allele1	Allele2	Allele3
Amelogenin	X	Y				
D3S1358	16			16		
D5S818	12	13		12	13	
D2S1338	23	24				
TPOX	8	10		8	10	
CSF1PO	12	13		12	13	
Penta D	10	11				
TH01	8	9.3		8	9.3	
vWA	14			14		
D7S820	9	12		9	12	
D21S11	29	32.2		29	32.2	
Penta E	11	14				
D10S1248	13					
D8S1179	13	14		13	14	
D1S1656	17.3	18.3				
D18S51	14	22		14	22	
D12S391	17					
D6S1043	12	15				
D19S433	13	14.2				
D16S539	9	12		9	12	
D13S317	11	14		11	14	
FGA	22	23		22	23	

*尽管本表列出了所有位点的等位基因数据, 但匹配算法只比较 13 个核心位点。

其他说明

(一) 分型方案及位点分布

	方案 1	方案 2	方案 3	方案 4
1	D3S1358	Amelogenin	D10S1248	D19S433
2	D5S818	TH01	D8S1179	D16S539
3	D2S1338	vWA	D1S1656	D13S317
4	TPOX	D7S820	D18S51	FGA
5	CSF1PO	D21S11	D12S391	
6	Penta D	Penta E	D6S1043	

(二) STR 数据库比对

STR 分型数据比对在 EXPASY 数据库中进行，EXPASY 数据库包含了来自于 ATCC、DSMZ、JCRB 及 RIKEN 等数据库的 8808 株人源细胞系的 STR 数据 (Cellosaurus release 50.0, 2024 年 9 月最新更新)。如果待测细胞未收录于 EXPASY 细胞库或是自行建立的新细胞系，STR 分型数据比对将无法进行，用户需根据细胞分型结果自行与其他数据库进行比对。

签发日期：2024 年 10 月 14 日



