

细胞遗传质量鉴定检测

Cell Line Authentication Service

STR 基因型检测报告

样品信息

样品编号:

客户样本编号	公司编号
	IMMO-241347

样品数量: 1

样品性状: 细胞系

检测项目: STR

送检单位: 厦门逸漠生物科技有限公司

检测方法： Chelex 100 提取细胞系基因组 DNA→SiFaSTR 23 plex 试剂盒进行多重 PCR→ABI 3130 XL 型遗传分析仪上进行毛细管电泳→GeneMapper® ID v3.2 软件进行数据分析→在 EXPASY 数据库中进行数据比对。

检测结果

(一) 检验基本情况

	多等位基因	匹配细胞系	细胞库	EV 值	匹配说明
IMMO-241347	无	ZR-75-30	EXPASY	1	完全匹配

样本基因型检验结果

- 多等位基因指三等位及以上基因现象。
- 本次检测各细胞分型结果良好。

(二) 各样本描述

- IMMO-241347**：该株细胞鉴定结果为**人源细胞系**，细胞 STR 分型结果与 EXPASY 数据库细胞 **ZR-75-30** 细胞系基因型一致，细胞对应号 **CVCL 1661**，STR 分型结果**完全匹配**。本次检测在该细胞系中**没有发现多等位基因，无交叉污染**。

Accession	Name	N° Markers	Score	Amelb	CSF1PO	D2S1338	D3S1358	D5S818	D7S820	D8S1179	D13S317	D16S539	D18S51	D19S433	D21S11	FGA	Penta D	Penta E	TH01	TPOX	vWA
NA	Query	NA	NA		10,11		15,18	12,13	11,12	13,14	10,11	9	17		31	22			8,9	10,11	18,19
CVCL_1661	ZR-75-30	13	100.00%	X	10,11	17,22	15,18	12,13	11,12	13,14	10,11	9	17	13,2,14,2	31	22	2,2,10	5,7	8,9	10,11	18,19
CVCL_1857	BD-215	13	62.22%	XY	10,11	22,23	16,17	12,13	7,12	15	11	9,13	13,17	13,16	28,31	21,23	10	7,19	8,9	10,11	18
CVCL_9V47	LCL-PI1	13	62.22%	XY	10		15,18	11,12	11,12	13,14	11	9,11	16,17		32,33	22,24			6	8,11	14,19
CVCL_C0VF	B-LCL-CDG1	13	60.87%	X	10,12		15,18	12,13	10,11	12	8,10	9,11	15,19		31	20,22	11,12	10	8,9	9,11	17,19
CVCL_B152	HUES 21	13	59.09%	X	10,11		15,16	12	10,11	13,14	11	11,13	13		30	20,22	9,12	8,12	6,8	9,11	18,19
CVCL_A1VI	ICC4	13	57.78%	XY	10,11		15	11,13	11,12	13,14	10,11	11,12	12		27,31,2	20,21	10,11	10,11	9,9,3	8,11	18
CVCL_S641	KMH-2	13	57.14%	XY	10,11		15	12,13	11	13	9	9,12	17		30,32,2	20,22			9	8,11	14,15
CVCL_V613	SF172	13	57.14%	X	9		15	12	11,12	13,14	10,12	10	16		27,30	22	11,12	5,13	8,9	10,11	16,17
CVCL_C029	UPCI-SCC-032	13	57.14%	X	11	24	15	13	11,14	13	8,11	9,13	17	12,13	29,31	22,2,2,2	11,12	12,15	7,9	8,11	16
CVCL_BT02 Best	2B5	13	56.52%	X	10,12	19,20	15	12,13	8,11	11,13	8,11	9,12	15,17	13,14	29,30	19,22	11,13	14	7,9	8,10	18
CVCL_BT02 Worst	2B5	13	48.89%	X	10,12	19,20	15	11	8,11	11,13	8,11	9,12	14,17	13,14	29,30	19,22	11,13	7,11	7,9	8,10	18
CVCL_6593	CHLA-143	13	56.52%	X	11,12	18,23	15	12,13	9,11	12,13	12,13	9,11	15,17	14,15	29,30	22,25			7,9	11	18,19
CVCL_V657	HCC1623	13	56.52%	X	10,11	19,23	15,18	12,13	9,11	13,15	11,14	9	18,19	14,16,2	28,31	21,2,2,7	10,13	8,10	8	8,11	13,17
CVCL_B173	HUES 40	13	56.52%	X	10,11	24	16,17	12,13	9,11	13,15	10,11	9,11	12,17	13,14	27,31	22			6,9,3	8	14,18
CVCL_1620 Best	OCI-AML-5	13	56.52%	XY	10,11	19,22	18	12,13	11,12	13,14	11,14	11,13	15,17	12,16	28,32,2	19,24	9	13,18	9,3	8,11	16,18
CVCL_1620 Worst	OCI-AML-5	13	55.32%	XY	10,11	19,22	18	12,13	11,12	13,14	11,14	11,13	15,17	12,16	28,32,2	19,24	9	13,18	7,9,3	8,11	16,18

备注： 待测细胞系与收录于 ExPASy 细胞库 (ExPASy 收录了来自于 ATCC、DSMZ、JCRB、ECACC 和 Riken 等数据库约 8808 株人源细胞 STR 数据，2024 年 9 月最新更新)

中的 STR 参考数据进行比对, 未被收录 STR 数据的细胞系将无法进行比对。根据 ATCC 标准委员会鉴定标准 (ANSI/ATCC ASN-0002-2022), 匹配度 $EV \geq 80\%$ 认为它们具有相关性, 可能衍生于共同的祖先细胞; 匹配度 55%-80%之间, 需要结合其它方法进一步的鉴定认证其相关性。

(三) 样本分型结果

细胞 IMMO-241347 的 STR 位点和 Amelogenin 位点的基因分型结果						
Loci	送检细胞 STR 信息			细胞库细胞 STR 信息		
	送检细胞名: IMMO-241347			细胞库细胞名: ZR-75-30		
	Allele1	Allele2	Allele3	Allele1	Allele2	Allele3
Amelogenin	X					
D3S1358	15	18		15	18	
D5S818	12	13		12	13	
D2S1338	17	22				
TPOX	10	11		10	11	
CSF1PO	10	11		10	11	
Penta D	2.2	10				
TH01	8	9		8	9	
vWA	18	19		18	19	
D7S820	11	12		11	12	
D21S11	31			31		
Penta E	5	7				
D10S1248	14	17				
D8S1179	13	14		13	14	
D1S1656	16.3	18.3				
D18S51	17			17		
D12S391	18	20				
D6S1043	18	19				

D19S433	13.2	14.2				
D16S539	9			9		
D13S317	10	11		10	11	
FGA	22			22		

*尽管本表列出了所有位点的等位基因数据，但匹配算法只比较 13 个核心位点。

immocell

其他说明

(一) 分型方案及位点分布

	方案 1	方案 2	方案 3	方案 4
1	D3S1358	Amelogenin	D10S1248	D19S433
2	D5S818	TH01	D8S1179	D16S539
3	D2S1338	vWA	D1S1656	D13S317
4	TPOX	D7S820	D18S51	FGA
5	CSF1PO	D21S11	D12S391	
6	Penta D	Penta E	D6S1043	

(二) STR 数据库比对

STR 分型数据比对在 EXPASY 数据库中进行，EXPASY 数据库包含了来自于 ATCC、DSMZ、JCRB 及 RIKEN 等数据库的 8808 株人源细胞系的 STR 数据 (Cellosaurus release 50.0, 2024 年 9 月最新更新)。如果待测细胞未收录于 EXPASY 细胞库或是自行建立的新细胞系，STR 分型数据比对将无法进行，用户需根据细胞分型结果自行与其他数据库进行比对。

签发日期：2024 年 10 月 14 日



Sample Name	Panel	SQO	SQ
IMMO-241347	SifaSTR 23 plex_v7.0		■

