

物种鉴定报告

Species Identification Report

样品信息

样品编号:

客户样本编号	公司编号
细胞系 S2	

样品数量: 1

样品性状: 细胞系

检测项目: 种属鉴定

送检单位: 厦门逸漠生物科技有限公司

说明

1. 本报告仅对所提供样本的检测结果负责，不代表其他样本或批次。
2. 报告中的检测结果及检测单位名称未经授权，不得用于任何形式的广告、评比、认证或商业宣传。
3. 如对本报告内容有异议，请在收到报告之日起十五个工作日内以书面形式提出，逾期将不予受理。
4. 对于任何未经授权的涂改、增删或未加盖检测单位正式印章的报告复印件，本单位均不承担任何法律责任。
5. 本报告的检测结果仅供参考，最终解释权归检测单位所有。
6. 报告一旦发出，未经检测单位书面同意，不得以任何形式进行复制或分发。
7. 请妥善保管本报告，如有遗失或损坏，检测单位不负责重新出具。
8. 检测单位保留对本报告内容进行更新和修订的权利，以确保检测标准和方法的准确性和时效性。

签发日期：2024年9月11日

1. 摘要

本项目运用 DNA 条形码 (DNA barcode) 技术, 对送检样本的 16S rRNA 基因的目标区域进行 PCR 扩增, PCR 产物进行 Sanger 测序, 测序结果与 NCBI 数据库中序列进行比对和分析, 确定送检样本的种属。

2. 样品编号

样品编号	样品描述	检测方法
细胞系 S2		SF/T 0136-2023

3. 实验结果

3.1 送检样本的 Sanger 测序结果:

样本名称	细胞系 S2
目标区域所在基因	16S rRNA
测序结果 (FASTA 格式)	<pre>>S2-cy-16S-R_F05.ab1 AACGGCTACACCCAAAATTATATCTTAATCCAACATCGAGGTCGCAA TCTTTTTTATCGATATGAACTCTCCAAAAAATTACGCTGTTATCCCT AAAGTAACTTAATTTTTTAATCATTATTAATGGATCAAATATTCATA AATTTATGTTTTTAAAAATTAAGTTTTTTAAATTTTAATATCACCC CAATAAAATATTTTTATTTATTAATAATTTAATTAATCTATATAATTAA AATAAAAAAAAAATATAAAGATTTATAGGGTCTTCTCGTCTTTTAAAT AAATTTTAGCTTTTTGACTAAAAAATAAAATTCTATAAAAATTTTAA ATGAAACAGTTAATTTTCGTCCAACCATTCATCCAGCCTTCAATT AAAAGACTAATGATTATGCTACCTTTGCACAGTCAAATACTGCGGC CATTTAAAATTTTCAGTGGGCAGGTTAGACTTTATATATAATTCAAA AAGACATGTTTTT</pre>

3.2 NCBI 数据库 BLAST 结果:

Descriptions		Graphic Summary	Alignments	Taxonomy					
Sequences producing significant alignments									
Download <input type="button" value="v"/> Select columns <input type="button" value="v"/> Show <input type="text" value="100"/> <input type="button" value="i"/>									
<input checked="" type="checkbox"/> select all 100 sequences selected									
GenBank Graphics Distance tree of results MSA Viewer									
	Description	Scientific Name	Max Score	Total Score	Query Cover	E value	Per. Ident	Acc. Len	Accession
<input checked="" type="checkbox"/>	Drosophila melanogaster isolate Oregon R mitochondrion complete genome	Drosophila mela...	898	898	100%	0.0	100.00%	14905	AF200828.1
<input checked="" type="checkbox"/>	Drosophila melanogaster isolate Domodedovo 18 mitochondrion	Drosophila mela...	898	898	100%	0.0	100.00%	15520	MW376576.1
<input checked="" type="checkbox"/>	Drosophila melanogaster strain Q12 mitochondrion partial genome	Drosophila mela...	898	898	100%	0.0	100.00%	14904	JQ686696.1
<input checked="" type="checkbox"/>	Drosophila melanogaster strain CO3 mitochondrion partial genome	Drosophila mela...	898	898	100%	0.0	100.00%	14904	JQ686695.1
<input checked="" type="checkbox"/>	Drosophila melanogaster isolate L18 mitochondrion complete genome	Drosophila mela...	898	898	100%	0.0	100.00%	14905	KY310614.1
<input checked="" type="checkbox"/>	Drosophila melanogaster strain tko25t mitochondrion complete genome	Drosophila mela...	898	898	100%	0.0	100.00%	18844	JQ686693.1
<input checked="" type="checkbox"/>	Drosophila melanogaster isolate BS1 mitochondrion	Drosophila mela...	898	898	100%	0.0	100.00%	14610	KY559391.1
<input checked="" type="checkbox"/>	Drosophila melanogaster strain Reids1 mitochondrion partial genome	Drosophila mela...	898	898	100%	0.0	100.00%	14906	JQ686697.1
<input checked="" type="checkbox"/>	Drosophila melanogaster isolate LS mitochondrion	Drosophila mela...	898	898	100%	0.0	100.00%	14654	KY559390.1
<input checked="" type="checkbox"/>	Drosophila melanogaster isolate PYR2 mitochondrion	Drosophila mela...	898	898	100%	0.0	100.00%	14660	KY559389.1

实验结果描述：依据 Sanger 测序和 NCBI 数据库 BLAST 检索比对结果，倾向于支持送检的细胞系 S2 来源于黑腹果蝇 (*Drosophila melanogaster*)。